



NEWSLETTER ONE HEALTH – SEPTIEMBRE 2024

www.prosaia.org

Influenza aviar altamente patógena

Investigación de posible transmisión entre humanos

Los Centros para el Control y la Prevención de Enfermedades (CDC) de los EEUU confirmaron un nuevo caso humano de infección por el virus de la influenza aviar A(H5) (Missouri) y se está llevando a cabo una investigación sobre su posible origen ya que, a diferencia de los casos anteriores, este paciente no tuvo contacto conocido con animales.

Al menos un miembro del hogar y seis trabajadores de la salud que tuvieron contacto con el paciente están siendo investigados tras presentar síntomas de infección viral.

Si se confirman, estos casos marcarían la primera instancia de transmisión de H5N1 de humano a humano en el país.

Hasta ahora, se han reportado 14 casos humanos de H5N1 en los Estados Unidos este año, casi todos, excepto uno, en trabajadores agrícolas que estuvieron en contacto cercano con aves o ganado infectado. Todos los pacientes se han recuperado, pero este fue hospitalizado debido a su enfermedad y algunos de los trabajadores de la salud entraron en contacto con el paciente antes de que se implementaran los protocolos de precaución contra gotas.

Aunque los síntomas se han resuelto, los CDC indicaron que utilizarían pruebas de anticuerpos para determinar si alguno de los trabajadores de la salud tuvo el virus.

Fuente: [UNMC](#) – [CIDRAP](#) – [Feed Strategy News](#)

Primer reporte de Fiebre hemorrágica de Crimea-Congo en Israel.

Como parte del monitoreo activo de enfermedades en animales, realizado por el Instituto Veterinario de los Servicios Veterinarios del Ministerio de Agricultura, se detectó por primera vez el virus causante de la fiebre hemorrágica de Crimea-Congo (FHCC) en ganado vacuno en pastoreo en los Altos del Golán, el este del Valle de Jezreel y el sur del Carmelo, así como en las garrapatas recolectadas de dichos animales.

El Ministerio de Agricultura ha informado al Ministerio de Salud sobre la evidencia de la presencia del virus, debido a las posibles consecuencias para la salud pública, ya que se trata de una enfermedad zoonótica.

La fiebre hemorrágica de Crimea-Congo es una enfermedad viral que afecta tanto al ganado bovino y ovino como a los humanos. Generalmente, la enfermedad se presenta sin síntomas en los animales, pero puede causar enfermedad grave en humanos. La literatura indica que aproximadamente el 30% de los humanos diagnosticados también mueren por la enfermedad. El virus se transmite a través de la picadura de una garrapata que se ha alimentado de sangre de ganado bovino u ovino infectado, o por contacto con sus fluidos corporales, y no se contagia por la ingesta de carne o leche. Como se mencionó, esta es la primera vez que se diagnostica el virus en Israel, a pesar de que es común en países de Oriente Medio, África, Asia Occidental y el Sudeste de Europa.

Fuente: [Min agricultura y desarrollo rural de Israel](#) - [Promed](#)

Brasil. La epidemia de Fiebre de Oropouche en la Amazonia fue causada por una nueva cepa del virus.

Una investigación demostró que el reciente brote de fiebre de Oropouche en la región amazónica brasileña, el mayor jamás registrado, fue causado por un nuevo linaje viral, denominado 'OROV BR-2015-2024'.

La investigación analizó muestras de 382 casos registrados entre agosto de 2022 y febrero de 2024 en los estados de Amazonas, Acre, Rondônia y Roraima. Durante ese período, se registraron más de 6.000 casos en 140 municipios de la Región Norte. Los análisis revelaron que los contagios fueron causados por una nueva cepa del virus de Oropouche, que también fue detectada en una muestra recolectada en la ciudad de Tefé, Amazonas, en 2015, y en Guayana Francesa en 2020.

Considerando las características genéticas del patógeno, los investigadores estiman que el linaje OROV BR-2015-2024 probablemente surgió entre 2010 y 2014 en el estado de Amazonas, propagándose silenciosamente hasta provocar la reciente epidemia. El nuevo linaje del virus de Oropouche surgió a través de un reordenamiento genético entre cepas que circulan en Brasil y otra que circula en Perú, Colombia y Ecuador. El reordenamiento ocurre cuando la misma persona o animal es infectado por dos cepas virales diferentes de manera simultánea. Así, en el proceso de replicación viral puede surgir una cepa que sea una combinación de dos patógenos, como se observa en este caso. Todavía es necesario realizar más investigaciones para determinar el impacto de la aparición de la nueva cepa en la propagación de la fiebre de Oropouche en el Amazonas y más allá. Por un lado, la nueva cepa presenta cambios en la superficie de la partícula viral que pueden facilitar el escape de los anticuerpos. Por lo tanto, las personas previamente infectadas con el virus de Oropouche pueden tener una protección reducida contra la nueva cepa. Además, un estudio preliminar indica que la nueva cepa se replica más rápidamente en las células que el primer linaje del virus de Oropouche aislado en Brasil en la década de 1960. Por otro lado, los investigadores señalan que la nueva cepa circuló durante casi diez años antes de provocar un gran brote.

Al analizar las características genéticas de los virus y los lugares donde se registraron los casos, los investigadores observaron que la propagación de la enfermedad se producía mediante una combinación de movimiento de vectores y de seres humanos infectados. En aproximadamente dos tercios de los casos, la propagación del virus fue compatible con la distancia de vuelo de los insectos, que se mantuvo por debajo de los 2 kilómetros por día. Sin embargo, en aproximadamente un tercio de los registros se observó una dispersión de más de 10 km por día, lo que indica una asociación con el movimiento humano.

Fuente: Reporte epidemiológico de Córdoba 2860 - [Nature](#)

SARS-CoV-2. Nueva variante. Situación en Argentina.

Una nueva variante del SARS-CoV-2 que se está extendiendo por Europa y el mundo podría convertirse pronto en dominante. La variante XEC es un híbrido de las anteriores subvariantes Omicron KS.1.1 y KP.3.3, que actualmente es dominante en Europa. Las mutaciones de XEC podrían facilitar su propagación este otoño, según declararon los expertos. Sin embargo, aún no cumple los criterios para convertirse en una variante preocupante o de interés para las autoridades de salud pública, según información del Centro Europeo para la Prevención y el Control de las Enfermedades (ECDC).

En Argentina, desde la semana epidemiológica 29 (SE29) se registra un ascenso paulatino de las detecciones semanales de SARS-CoV-2, aunque los casos permanecen en valores bajos. En la SE38 de 2024 se registraron 300 casos confirmados y 1 persona fallecida con diagnóstico de COVID-19.

El 74% de los casos entre la SE1 y SE37/2024 se concentran hasta el momento entre las SE1 y SE12. A partir de la SE13 y hasta la SE33 los casos detectados se mantuvieron por debajo de los 60 semanales (mínimo de 19 en SE17 y máximo de 54 en SE33). A partir de la SE34 se observa un mayor número de detecciones respecto a lo registrado en las semanas previas, con un promedio de 100 casos semanales en las últimas 3 semanas analizadas.

En relación a las variantes de SARS-CoV-2, entre las SE5 y 12 de 2024, JN.1 se identificó en un 80,60% (n= 270), seguida de BA.2.86* en un 10,75% (n=36) (*Indica la inclusión de linajes descendientes).

Fuente: Boletín epidemiológico Nacional N° 723.

Resistencia a antimicrobianos

Una investigación publicada en *The Lancet* presentó la primera evaluación integral de la carga global de resistencia a los antimicrobianos (RAM) desde 1990 hasta 2021, con resultados pronosticados hasta 2050.

Según el estudio, las enfermedades bacterianas resistentes a los antibióticos disponibles causarán más de 39 millones de muertes en todo el mundo en los próximos 25 años y contribuirán indirectamente a otros 169 millones de fallecimientos. En 2050, las cifras anuales de decesos atribuidos directamente a la resistencia a los antibióticos alcanzarán 1,91 millones y las asociadas a ella 8,22 millones, si no se aplican medidas para corregir la tendencia.

Este estudio también encontró una notable divergencia en las tendencias de mortalidad por RAM por edad, con una reducción de más del 50% en niños menores de 5 años entre 1990 y 2021, mientras que los adultos experimentaron un aumento en la mortalidad por RAM durante este período. La notable disminución de la mortalidad por RAM en niños menores de 5 años durante las últimas tres décadas merece especial atención. Gran parte de esta reducción se debe a una disminución en *S. pneumoniae* resistente a fármacos y en patógenos comúnmente propagados por transmisión fecal-oral. Esta disminución coincide con los amplios esfuerzos de vacunación y el mejor acceso a agua, saneamiento e higiene (WASH, por sus siglas en inglés), y sirve como un importante recordatorio para la comunidad de salud global y los responsables de políticas de que la

prevención de infecciones puede ser una intervención altamente efectiva para reducir la carga de RAM.

Los hallazgos muestran la importancia de la prevención de infecciones, la vacunación, la minimización del uso inadecuado de antibióticos tanto en animales como en humanos y la investigación de nuevos antibióticos para mitigar el número de muertes por RAM pronosticadas para 2050.

Fuente: [The Lancet](#) - [La Nación](#)